

Draft genome sequences of fungus *Aspergillus calidoustus*.

Horn F, Linde J, Mattern DJ, Walther G, Guthke R, Scherlach K, Martin K, Brakhage AA, Petzke L, Valiante V (2016) Draft genome sequences of fungus *Aspergillus calidoustus*. *Genome Announc* 4(2), e00102-16.

[Details](#)



Abstract

Here, we report the draft genome sequence of *Aspergillus calidoustus* (strain SF006504). The functional annotation of *A. calidoustus* predicts a relatively large number of secondary metabolite gene clusters. The presented genome sequence builds the basis for further genome mining.

[Biomolekulare Chemie Christian Hertweck](#) [Mehr erfahren](#)

[Molekulare und Angewandte Mikrobiologie Axel Brakhage](#) [Mehr erfahren](#)

[Microbiome Dynamics Gianni Panagiotou](#) [Mehr erfahren](#)

[Biotechnikum Miriam Agler-Rosenbaum](#) [Mehr erfahren](#)

[Biobricks mikrobieller Naturstoffsynthesen Vito Valiante](#) [Mehr erfahren](#)

Leibniz-HKI-Autor*innen



Axel A. Brakhage

[Details](#)



Reinhard Guthke

[Details](#)



Uwe Horn

[Details](#)



Jörg Linde

[Details](#)



Karin Martin

[Details](#)



Derek J. Mattern

[Details](#)



Kirstin Scherlach

[Details](#)



Vito Valiante

[Details](#)



Grit Walther

[Details](#)

Identifier

doi: 10.1128/genomeA.00102-16

PMID: 26966204